

Vertaaltabel genotype – fenotype CYP2D6, volgens consensuswerkgroep Vertaaltabel van de KNMP.

Allel	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13 ¹⁾	14	15	17	18	19	20	21	29	31	33	35	36	38	40	41	42	N ²⁾ x 1, 2 of 35	N ³⁾ x 9, 10, 17, 29 of 41
1	E	E	I	I	I	I	I	E	E	I	I	I	I	I	E	I	I	I	E	I	E	I	I	I	E	I	U	E			
2		E	I	I	I	I	I	E	E	I	I	I	I	I	E	I	I	I	E	I	E	I	I	I	E	I	U	E			
3		P	P	P	P	P	P	I	I	P	P	P	P	P	I	P	P	P	I	P	I	I	P	P	I	P	E	I			
4			P	P	P	P	P	I	I	P	P	P	P	P	I	P	P	P	I	P	I	I	P	P	I	P	E	I			
5			P	P	P	P	P	I	I	P	P	P	P	P	I	P	P	P	I	P	I	I	P	P	I	P	E	I			
6			P	P	P	I	I	P	P	P	P	P	P	P	I	P	P	P	I	P	I	I	P	P	I	P	E	I			
7				P	P	I	I	P	P	P	P	P	P	P	I	P	P	P	I	P	I	I	P	P	I	P	E	I			
8					P	I	I	P	P	P	P	P	P	P	I	P	P	P	I	P	I	I	P	P	I	P	E	I			
9						I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	E	E	I	I	I	I	I	I	E	E ^{1,5}			
10							I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	I	E	E	I	I	I	I	I	I	E	E ^{1,5}			
11								P	P	P	P	P	P	P	I	P	P	P	I	P	I	I	P	P	P	I	P	E	I		
12								P	P	P	P	P	P	P	I	P	P	P	I	P	I	I	P	P	P	I	P	E	I		
13 ¹⁾									P	P	P	I	P	P	P	P	P	I	P	I	I	P	P	P	I	P	E	I			
14									P	P	I	P	P	P	P	I	P	I	P	I	I	P	P	P	I	P	E	I			
15										P	I	P	P	P	P	I	P	I	I	P	P	P	I	P	E	I	I				
17											I	I	I	I	I	I	P	E	E	I	I	I	I	I	I	E	E ^{1,5}				
18											P	P	P	P	P	I	P	I	I	P	P	P	I	P	E	I					
19												P	P	P	I	P	I	I	P	P	P	I	P	E	I						
20												P	P	I	P	I	I	P	P	P	I	P	P	I	P	E	I				
21												P	I	I	I	I	P	P	P	P	I	P	P	I	P	E	I				
29													I	I	E	E	I	I	I	I	I	I	I	E	E ^{1,5}						
31													P	I	I	P	P	P	I	P	E	I									
33														E	E	I	I	I	E	I	U	E									
35															E	I	I	I	E	I	U	E									
36																P	P	P	I	P	E	I									
38																	P	P	I	P	E	I									
40																		P	I	P	E	I									
41																			I	I	E	E ^{1,5}									
42																			P	E	I										

¹⁾ en andere CYP2D6/CYP2D7 hybride allelen.

²⁾ N > 1; het voorspelde fenotype E geldt voor N = 2. Indien N > 2 is het voorspelde fenotype U.

³⁾ N > 1; het voorspelde fenotype geldt voor N = 2. Geen voetnoot: Het voorspelde fenotype E wordt U voor N ≥ 4. ^{1,5}: Het voorspelde fenotype E wordt U voor N ≥ 5. Het voorspelde fenotype I wordt E voor N ≥ 3 en U voor N ≥ 6.

E, I, P, U

= extensive metaboliser (normal metaboliser), intermediate metaboliser, poor metaboliser, ultra-rapid metaboliser

actief allele

= *1, *2, *33, *35

verminderd actief allele

= *9, *10, *17, *29, *41

inactief allele

= *3 t/m 8, *11, *12, *13 en andere CYP2D6/CYP2D7 hybride allelen, *14, *15, *18 t/m 21, *31, *36, *38, *40, *42